

Veille sanitaire internationale	
Note d'information	23/07/2018

## Situation épidémiologique des virus IAHP issus du clade 2.3.4.4 en Europe au 18 juillet 2018

**Pour la VSI (par ordre alphabétique) :** Anne Bronner (DGAL), Didier Calavas (Anses), Julien Cauchard (Anses), Sylvain Falala (Inra), Alizé Mercier (Cirad)

**Pour l'ONCFS :** Anne Van De Wiele

Auteur correspondant : [alize.mercier@cirad.fr](mailto:alize.mercier@cirad.fr)

**Source :** Données actualisées au 18/07/2018 inclus (au 22/07/2018 inclus pour la Russie) – ADNS, OIE, FAO Empres-i, DGAL, ProMED, Avian Flu Diary 05/07/2018 (<http://afludiary.blogspot.com/2018/07/russian-media-avian-flu-reported-in-two.html>)

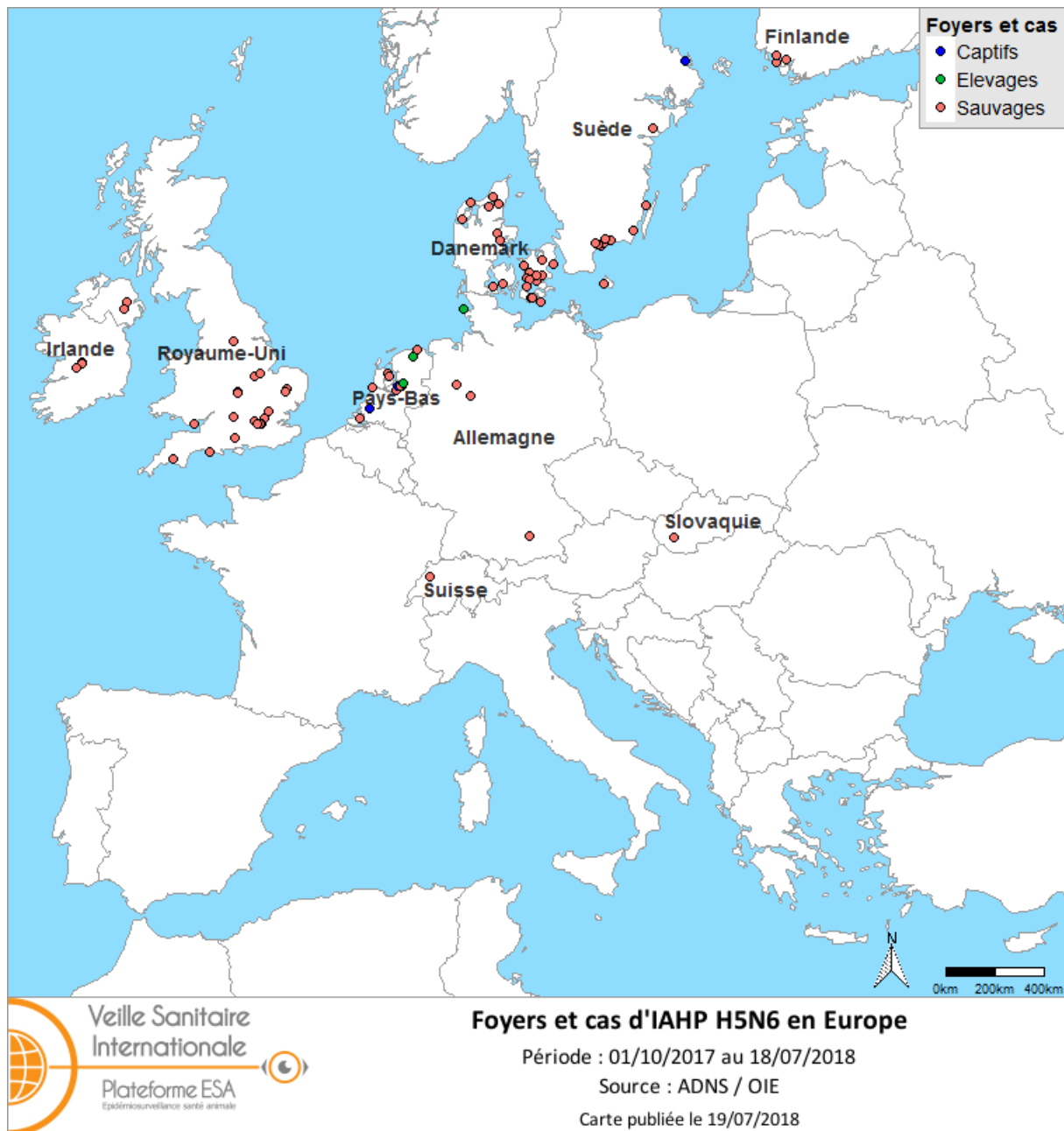
Depuis le dernier point de situation au 3 juin 2018 ([lien](#)), le virus influenza aviaire hautement pathogène (IAHP) de sous-type H5N6 a été détecté au sein de l'avifaune sauvage dans plusieurs pays :

- Danemark : un cas chez un pygargue à queue blanche (déclaration le 04/06),
- Suède : détection du virus chez un pygargue à queue blanche (*Haliaetus albicilla*) (déclaration le 05/06), et
- Royaume-Uni : un cas chez une oie cendrée (*Anser anser*) (déclaration le 15/06).

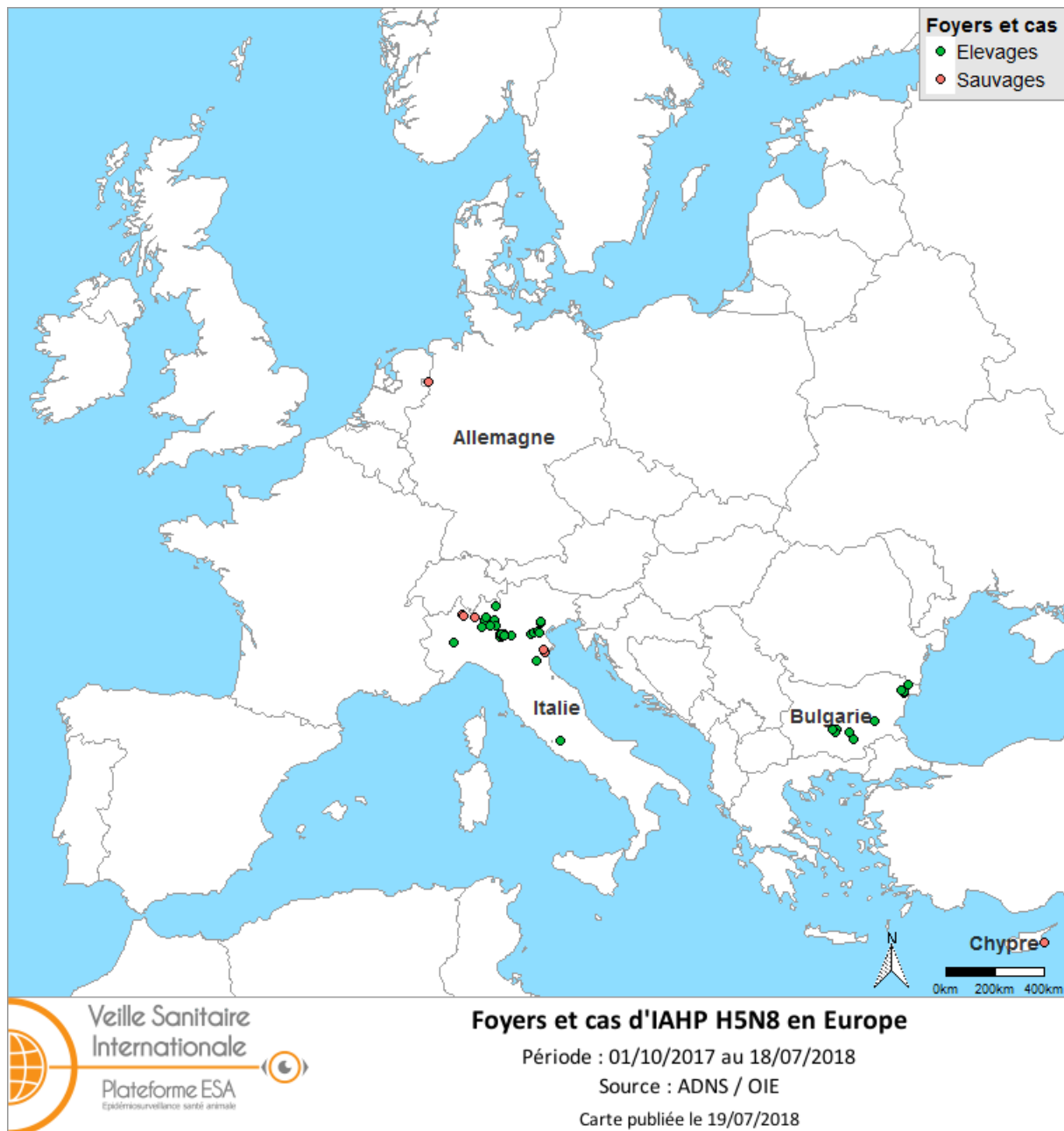
La Bulgarie a également déclaré deux foyers d'H5 au sein d'un élevage de poules pondeuses le 14/06 (H5N8 selon l'OIE) et au sein d'une basse-cour le 09/07 (sous-type non précisé).

Enfin, la Russie a déclaré 40 foyers d'IAHP H5 au sein d'élevages de volailles (type d'oiseaux non précisé) depuis juin 2018. Le sous-type H5N8 a été identifié pour treize de ces foyers déclarés.

Du 1<sup>er</sup> octobre 2017 au 18 juillet 2018 inclus, un total de 157 foyers et cas d'IAHP H5 (dont 62 foyers et cas d'H5N8) ont été déclarés dans douze pays européens : Italie, Bulgarie, Chypre, Allemagne, Pays-Bas, Suisse, Royaume-Uni, Irlande, Suède, Danemark, Finlande et Slovaquie (Tableau 1, Figures 1 & 2). Deux sous-types ont été identifiés : H5N6 (Figure 1) et H5N8 (Figure 2).



**Figure 1. Carte des foyers et des cas d'IAHP H5N6 déclarés en Europe du 1<sup>er</sup> octobre 2017 au 18 juillet 2018 inclus (source : ADNS/OIE)**



**Figure 2. Carte des foyers et des cas d'IAHP H5N8 déclarés en Europe du 1<sup>er</sup> octobre 2017 au 18 juillet 2018 inclus (source : ADNS/OIE)**

**Tableau 1. Nombre de cas et de foyers chez des oiseaux domestiques, sauvages et captifs, déclarés en Europe du 1<sup>er</sup> octobre 2017 au 18 juillet 2018 par sous-type et par pays (source : ADNS/OIE)**

Pays	H5N8			H5N6			H5Nx		
	domestique	sauvage	captif	domestique	sauvage	captif	domestique	sauvage	captif
Allemagne	-	1	-	1	3	-	-	-	-
Bulgarie	10	-	-	-	-	-	7	-	-
Chypre	-	1	-	-	-	-	-	-	-
Danemark	-	-	-	-	29	-	-	-	-
Finlande	-	-	-	-	3	-	-	-	-
Irlande	-	-	-	-	3	-	-	-	-
Italie	45	5	-	-	-	-	-	-	-
Pays-Bas	-	-	-	3	9	2	-	-	-
Royaume-Uni	-	-	-	-	21	-	-	-	-
Slovaquie	-	-	-	-	1	-	-	-	-
Suède	-	-	-	1	10	1	-	-	-
Suisse	-	-	-	-	1	-	-	-	-
<b>Total</b>	62			88			7		

## PLUSIEURS FILIERES ET PLUSIEURS ESPECES D'OISEAUX SAUVAGES ATTEINTES EN EUROPE DEPUIS LE 1<sup>ER</sup> OCTOBRE 2017

En élevage, plusieurs filières ont été atteintes, que ce soit des dindes en engraissement, des canards, des oies, des poules pondeuses ou des poulets, au sein d'élevages commerciaux, ainsi que dans des basses-cours.

Au niveau de l'avifaune sauvage, le tableau 2 détaille les espèces d'oiseaux impliquées.

**Tableau 2. Liste des espèces d'avifaune sauvage impliquées dans les cas d'IAHP en Europe du 1<sup>er</sup> octobre 2017 au 18 juillet 2018 (source : ADNS) (en jaune : les nouvelles espèces/localisations/dates depuis le dernier point)**

Famille	Nom latin	Nom français	Pays de détection du cas IAHP (et dates de déclaration ADNS)
Accipitridés	<i>Buteo buteo</i>	Buse variable	Chypre (30/10), Royaume-Uni (28/02, 23/03, 20/04), Irlande (12/03), Suède (14/03, 26/04), Pays-Bas (23/03, 28/03), Danemark (12/04, 24/04, 15/05), Allemagne (07/05)
Accipitridés	<i>Haliaeetus albicilla</i>	Pygargue à queue blanche	Irlande (09/02, 15/03), Suède (20/02, 09/04, 26/04, 09/05, 05/06), Danemark (02/03, 26/03, 23/04, 30/04, 04/06), Finlande (03/04, 24/04, 09/05), Allemagne (30/04)
Accipitridés	<i>Accipiter gentilis</i>	Autour des palombes	Royaume-Uni (12/03), Suède (26/04)
Anatidés	<i>Anas platyrhynchos</i>	Canards colverts	Royaume-Uni (22/01, 29/01)
Anatidés	<i>Anser anser</i>	Oies cendrées	Royaume-Uni (22/01, 28/02, 15/06)
Anatidés	<i>Aythya ferina</i>	Fuligule milouin	Royaume-Uni (17/01)
Anatidés	<i>Aythya fuligula</i>	Fuligule morillon	Royaume-Uni (17/01, 22/01, 29/01, 05/02)

Anatidés	<i>Aythya marila</i>	Fuligule milouinan	Pays-Bas (26/02)
Anatidés	<i>Branta canadensis</i>	Bernache du Canada	Royaume-Uni (17/01)
Anatidés	<i>Cygnus olor</i>	Cygne tuberculé	Italie (04/10, 20/10), Pays-Bas (15/12, 20/12, 29/12) Suisse (29/12) Royaume-Uni (17/01, 29/01, 05/02, 06/02, 14/02, 02/03), Danemark (23/04, 24/04)
Anatidés	Espèce non précisée	Oies sauvages	Italie (09/11)
Anatidés	Espèce non précisée	Canards sauvages	Allemagne (23/10, 08/01)
Colombidés	<i>Columba livia</i>	Pigeon biset	Italie (09/11)
Corvidés	<i>Corvus cornix</i>	Corneille mantelée	Danemark (12/04)
Falconidés	<i>Falco peregrinus</i>	Faucon pèlerin	Pays-Bas (23/03)
Falconidés	<i>Falco tinnunculus</i>	Faucon crécerelle	Italie (09/11)
Laridés	<i>Chroicocephalus ridibundus</i>	Mouette rieuse	Pays-Bas (25/01), Slovaquie (28/03), Danemark (23/04)
Laridés	<i>Larus argentus</i>	Goéland argenté	Royaume-Uni (17/01), Danemark (23/04)
Laridés	<i>Larus canus</i>	Goéland cendré	Royaume-Uni (22/01)
Laridés	<i>Larus marinus</i>	Goéland marin	Royaume-Uni (17/01), Pays-Bas (25/01)
Phalacrocoracidés	<i>Phalacrocorax carbo</i>	Grand cormoran	Danemark (23/04)
Phasianidés	<i>Phasianus colchicus</i>	Faisan de Colchide	Royaume-Uni (28/02)
Podicipédidés	<i>Podiceps cristatus</i>	Grèbe huppé	Royaume-Uni (17/01)
Rallidés	<i>Gallinula chloropus</i>	Gallinule poule d'eau	Royaume-Uni (29/01)

Beaucoup des oiseaux sauvages récemment détectés infectés sont des buses variables (*Buteo buteo*). Un certain nombre de ces buses sont probablement des oiseaux résidents, ce qui pourrait indiquer la présence d'une infection diffuse chez certaines de leurs proies,

qui pourrait passer inaperçue si ce sont des petites espèces comme par exemple des moineaux.

Le pigeon biset fait partie des colombidés, une famille *a priori* particulièrement peu réceptive aux souches d'IA en général. Les seuls cas de colombidés au monde identifiés impliquant la souche H5N8 avaient été identifiés dans le Sud-Ouest de la France (2 palombes et 5 tourterelles), en lien direct avec des élevages atteints, avec l'hypothèse d'une charge virale particulièrement importante développée dans les élevages avicoles atteints ; l'hypothèse est similaire pour l'Italie. La liste des espèces sauvages sensibles aux virus IA en Europe a été mise à disposition dans le journal de l'EFSA ([Scientific opinion, adopté le 14 Septembre 2017, doi: 10.2903/j.efsa.2017.4991](https://doi.org/10.2903/j.efsa.2017.4991)).

Les migrations des rapaces ont largement commencé.

### RECRUESCENCE DE FOYERS D'IAHP H5 EN RUSSIE

Depuis le 20 juin 2018, la Russie a déclaré 40 foyers d'IAHP au sein d'élevages de volailles (type d'oiseaux non précisé) (Figure 3). Les dates d'observation de ces foyers s'étalent du 7 juin au 15 juillet. Le sous-type H5N8 a été identifié pour les treize foyers déclarés le 18 juillet.



**Figure 3. Foyers d'IAHP H5 déclarés en Russie en juin et juillet 2018 (au 22 juillet inclus) (source: FAO Empres-i)**

Pour les foyers non typés (n=27), l'hypothèse la plus probable est qu'il s'agisse du virus H5N8 (source : Avian Flu Diary) ; toutefois le virus H5N2 avait été détecté en Russie fin 2017 (voir ci-dessous).

Les mesures de lutte mises en place incluent le contrôle de mouvement de volailles au sein du pays, des mesures de surveillance au sein des zones de protection et confinement, et l'abattage sanitaire (source : OIE).

#### **DETECTION D'UN VIRUS H5N2 EN RUSSIE**

Le 29 décembre 2017, la Russie a déclaré un foyer d'IAHP H5N2 au sein d'un élevage de volailles de plus de 660 000 oiseaux, dans la région de Kostroma, au Nord-Ouest de Moscou (déclaration OIE 29/12/2017). Ce foyer avait initialement été notifié comme un foyer de H5N8 trois jours auparavant.

Il s'agissait de la première déclaration d'IAHP H5N2 en Russie, la dernière présence déclarée de virus H5N2 en Europe remontant à janvier 2017 avec trois foyers au sein d'élevages en France. Toutefois, ces deux virus peuvent diverger. En effet, concernant l'origine de ce virus, deux hypothèses peuvent être formulées :

- la mutation d'un virus H5N2 FP présent au sein de l'élevage, en virus HP (comme ce fut le cas en 2015 avec le virus H7N7 au Royaume-Uni et en Allemagne, ou les virus H5N1 et H5N2 en France),
- un réassortiment entre le virus H5N8 HP qui a circulé en 2016-2017 avec une souche FP eurasiennne, comme pour le H5N6 en Europe. En effet, les virus du clade 2.3.4.4 ont un fort potentiel de mutation, comme cela a été constaté avec l'apparition des virus H5N5 et H5N6 suite à la circulation de H5N8 en Europe lors de la saison 2016-2017.

Quoi qu'il en soit, des analyses supplémentaires seraient nécessaires pour mieux définir l'origine, le lien entre et la composition génétique de ces nouveaux virus, et l'évolution de la situation épidémiologique en Europe est à suivre avec vigilance.