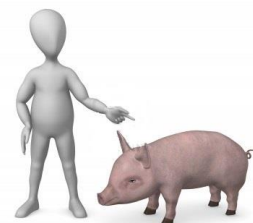
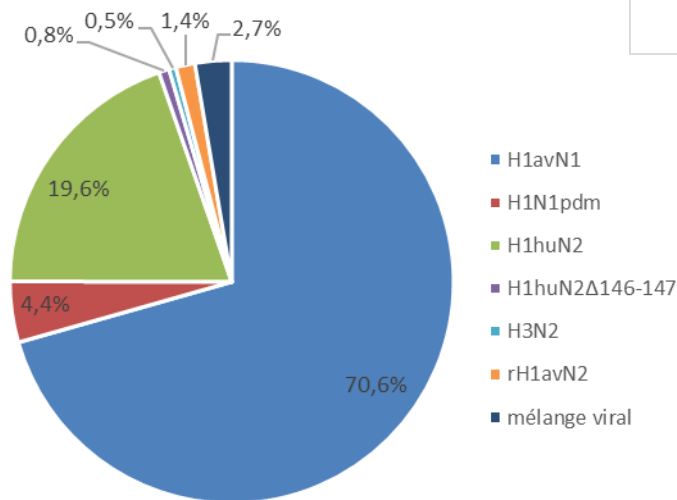


Résavip est le réseau national de surveillance des virus influenza A détectés chez le porc (VIP) en France métropolitaine. Son objectif est **d'approcher la diversité et la dynamique des VIP en France métropolitaine**.

Chaque trimestre et chaque année, Résavip publie un bulletin d'information national. Ces bulletins sont publics et mis en ligne sur le site de la Plateforme ESA (<https://www.plateforme-esa.fr/>).



Plus de **2 000 visites d'élevages** ont été réalisées dans le cadre de Résavip depuis 2011, soit en moyenne 21 visites par mois. Environ la moitié des visites a permis de détecter un VIP (figure ci-contre).



Principaux lignages de VIP identifiés par Résavip d'avril 2011 à décembre 2019



Nombre de visites d'élevages réalisées par les vétérinaires volontaires de Résavip

Le LNR Influenza Porcin a pu **identifier trois quarts des VIP détectés** à l'échelle du lignage par la nature et l'origine de leur hémagglutinine et de leur neuraminidase. Le lignage le plus fréquemment rencontré est H1_{av}N1 (figure ci-contre).

Pour devenir **vétérinaire volontaire de Résavip**, inscrivez-vous auprès de **l'animateur régional** qui vous fournira les *kits de prélèvements* et le *document d'accompagnement des prélèvements*. Pour plus d'informations veuillez contacter la coordinatrice nationale (ldommergues@coopdefrance.coop).

Bilan du 4^{ème} trimestre 2019

Alors que tous les indicateurs de surveillance de la grippe humaine sont en hausse début 2020, l'activité de Résavip a augmenté au 4^{ème} trimestre 2019 par rapport au 3^{ème} trimestre mais reste en deçà des valeurs habituelles pour un 4^{ème} trimestre. Du côté humain, les cas graves (admis en réanimation) de la grippe saisonnière de 2019-2020 étaient liés à des virus influenza de type A dans 76% des cas. 16% des cas graves étaient positifs pour le virus H1N1pdm, 2% des cas graves étaient positifs pour le virus H3N2 et le reste était lié à des virus influenza A non sous-typés, à des virus influenza de type B, à des coinfections ou n'étaient pas confirmés. Résavip à quant à lui permis de détecter une majorité de virus H1_{av}N1, 2 cas H1_{hu}N2 et 1 cas H1N1pdm en Bretagne.

Cinq nouveaux vétérinaires ont rejoint le réseau au 4^{ème} trimestre. Nous leur souhaitons la bienvenue !



64 visites d'élevages réalisées dans 5 régions

- 75 % (48/64) suite à un appel pour syndrome grippal
- 20 % (13/64) en visite de routine
- 5 % (3/64) non renseigné

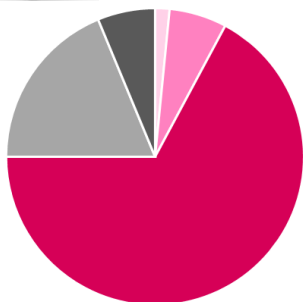
Répartition mensuelle des visites

- 24 en octobre
- 25 en novembre
- 15 en décembre



Répartition des visites suivant le type d'élevage

- Elevages de type NE dans 67 % des cas



- Naisseur (N) (1/64)
- Naisseur-Post sevrer (NPS) (4/64)
- Naisseur-Engraisseur (NE) (43/64)
- Post sevrer (PS) (0/64)
- Post sevrer-Engraisseur (PSE) (12/64)
- Engraisseur (E) (4/64)

Types de gripes

- 35 gripes classiques
- 26 gripes récurrentes
- 3 non renseigné

Intensité des signes cliniques

- 53 gripes d'intensité normale
- 9 gripes d'intensité élevée
- 2 non renseigné

Tableau : résultats détaillés du 4^{ème} trimestre 2019



Région		Bretagne	Normandie	Pays-de-la-Loire	Nouvelle-Aquitaine	Hauts de France	TOTAL national
					Aquitaine	Nord Pas de Calais	
Nombre de visites d'élevages ^a		44	6	7	2	5	64
Nombre d'élevages négatifs		25	3	5	2	3	38 (59,4%)
Nombre d'élevages positifs		18	3	3	0	2	26 (40,6%)
VIP enzootiques	<i>Avian-like swine</i> H1 _{av} N1	9	2	3	0	1	15 (57,7%)
	<i>Human-like reassortant swine</i> H1 _{hu} N2	2	0	0	0	0	2
	<i>Variant Human-like reassortant swine</i> H1 _{hu} N2 _{Δ146-147}	0	0	0	0	0	0
	<i>Human-like reassortant swine</i> H3N2	0	0	0	0	0	0
	H1N1pdm	1	0	0	0	0	1
VIP réassortants (rH1 _{av} N2)		0	0	0	0	0	0
Virus non identifiés	Sous-types indéterminés (H?N?) et partiellement indéterminés (ex : H?N1, H?N2, H1 _{av} N?, H1 _{hu} N?)	3	1	0	0	0	4
Mélange viral		0	0	0	0	0	0
Caractérisation virale en cours		3	0	0	0	1	4

a : Une visite d'élevage correspond à une suspicion qui a amené le vétérinaire à l'utilisation d'un kit de prélèvement Résavip. Il peut arriver qu'un vétérinaire réalise plus de 3 prélèvements au cours d'un même déplacement dans un site d'élevage ou effectue plusieurs déplacements successifs. Dans ce cas, on compte autant de visites que de suspicions

Le test de laboratoire utilisé pour détecter le virus influenza A (RT-PCR gène M) est plus sensible que ceux utilisés pour le sous-typage moléculaire. Cette caractérisation est également dépendante de la qualité des prélèvements. Ainsi les virus détectés ne sont-ils pas tous identifiés (sous-typés).



Plateforme ESA
Epidémiologie et surveillance santé animale