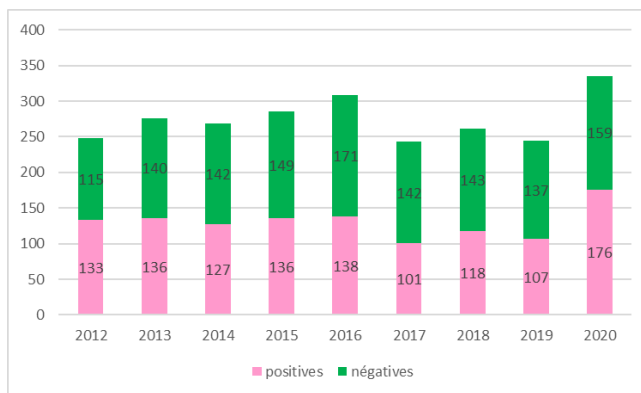


Résavip est le réseau national de surveillance des virus influenza A détectés chez le porc (VIP) en France métropolitaine. Son objectif est **d'approcher la diversité et la dynamique des VIP en France métropolitaine**.

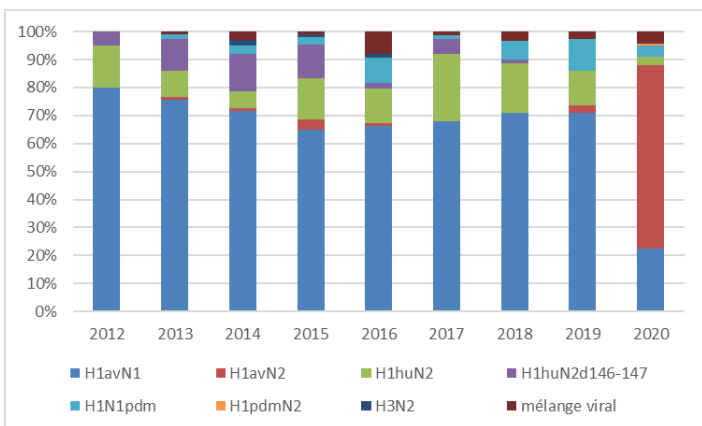
Chaque trimestre et chaque année, Résavip publie un bulletin d'information national. Ces bulletins sont publics et mis en ligne sur le site de la Plateforme ESA (<https://www.plateforme-esa.fr/>).



Résavip est un **outil de surveillance nationale**. Il offre à l'éleveur et au vétérinaire un résultat de détection (positif ou négatif) rapide. Les analyses de sous-typage sont réalisées par le **Laboratoire National de Référence Influenza porcine** (Anses) et le résultat est généralement disponible sous un mois (la moitié des résultats en moins de deux semaines, trois quart des résultats en moins de 23 jours en 2019).



Nombre de visites d'élevages réalisées par les vétérinaires volontaires de Résavip



Proportions des principaux lignages de VIP identifiés par Résavip de 2012 à 2020

Alors que les proportions des différents lignages de VIP étaient assez stables depuis la création de Résavip en 2011, un virage s'est produit en 2020, où la **proportion du sous-type H1_{av}N2 a augmenté** alors que la proportion de H1_{av}N1, prédominant auparavant, a diminué.

Pour devenir **vétérinaire volontaire de Résavip**, inscrivez-vous auprès de **l'animateur régional** qui vous fournira les *kits de prélèvements* et le *document d'accompagnement des prélèvements*. Pour plus d'informations veuillez contacter la coordinatrice nationale (ldommergues@lacoopagri.coop).

Bilan du 1^{er} trimestre 2021

Avec 87 visites d'élevages dans 9 régions, le réseau a été dynamique au premier semestre 2021 même si le taux de positivité des visites est redescendu sous la barre des 50%.

Comme c'est le cas depuis le deuxième trimestre 2020, le lignage H1_{av}N2 est majoritaire. Un virus H1pdmN1 a été identifié en région Bretagne, une première dans le cadre de Résavip

La journée Résavip, dématérialisée en 2021, sera l'occasion de faire le point sur le lignage H1_{av}N2.




87 visites d'élevages réalisées dans 9 régions

- 70 % (61/87) suite à un appel pour syndrome grippal
- 23 % (20/87) en visite de routine
- 7 % (6/87) non renseigné

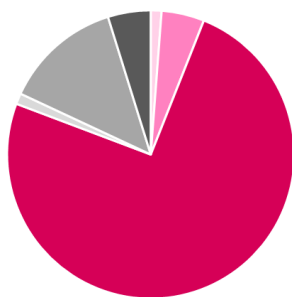
Répartition mensuelle des visites

- 38 en janvier
- 23 en février
- 26 en mars



Répartition des visites suivant le type d'élevage

- Elevages de type NE dans 75 % des cas



- Naisseur (N) (1/87)
- Naisseur-Post sevrer (NPS) (4/87)
- Naisseur-Engraisser (NE) (65/87)
- Post sevrer (PS) (1/87)
- Post sevrer-Engraisser (PSE) (11/87)
- Engraisser (E) (4/87)
- NR : 1/87

Types de gripes

- 62 gripes classiques¹
- 24 gripes récurrentes²
- 1 non renseigné

Intensité des signes cliniques

- 67 gripes d'intensité normale
- 15 gripes d'intensité élevée
- 5 non renseigné

¹Forme épisodique à l'échelle de l'élevage, pouvant se propager sur différentes classes d'âge au moment de l'épisode, sans caractère de récurrence à âge fixe.

²Forme persistante à l'échelle de l'élevage, se répétant sur chaque bande ou presque dans une gamme d'âge déterminée.

Région	Auvergne Rhône Alpes	Bourgogne Franche Comté	Bretagne	Centre Val de Loire	Grand Est	Hauts de France	Normandie	Nouvelle Aquitaine	Occitanie	PACA	Pays de la Loire	Total National
Nombre de visites d'élevages ^a	1	1	56	1	0	5	3	4	2	0	14	87
Nombre de visites positives	1	0	26	0	0	2	0	3	1	0	6	39 (45 %)
<i>Avian-like swine H1_{av}N1</i>	1	0	6	0	0	1	0	1	0	0	0	9
<i>Human-like reassortant swine H1_{hu}N2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<i>Human-like reassortant swine H3N2</i>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
H1pdmN1	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1
H1_{av}N2	0	0	15	0	0	0	0	0	0	0	5	20
H1pdmN2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Sous-types indéterminés ou partiellement indéterminés	0	0	4	0	0	1	0	2	0	0	0	7
Nombre de visites d'élevages où plusieurs souches ont été détectées simultanément	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Caractérisation virale en cours	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	1	2

^a Chaque kit de prélèvements Résavip comprend 3 écouvillons nasaux. On compte autant de visites d'élevages que de kits de prélèvements utilisés, même si le vétérinaire a utilisé plusieurs kits de prélèvements au cours du même déplacement.

Le test de laboratoire utilisé pour détecter le virus influenza A (RT-PCR gène M) est plus sensible que ceux utilisés pour le sous-typage moléculaire. Cette caractérisation est également dépendante de la qualité des prélèvements. Ainsi les virus détectés ne sont pas tous identifiés (sous-typés).