



BINA

Bulletin d'Information National Annuel
2021



La population porcine surveillée en 2021 est similaire à celles surveillées chaque année depuis 2013. Des syndromes grippaux ont été observés dans tous les types d'élevage et tout au long de l'année. Ils ont atteint toutes les catégories d'animaux quel que soit leur stade physiologique.

Le résultat marquant de la surveillance en 2021 est la confirmation du changement de situation épidémiologique commencé en 2020. De la création de Résavip en 2011 à 2019, le lignage majoritaire était H1_{av}N1. En 2020 et 2021, lignage H1_{av}N2 représentait plus de la moitié des virus identifiés.

La circulation d'un génotype viral supplémentaire dans les élevages augmente les risques d'infections simultanées par plusieurs virus influenza A différents, lesquelles peuvent elles-mêmes conduire à l'émergence de nouveaux virus réassortants, toujours plus nombreux et dont l'impact ne peut être prédit.

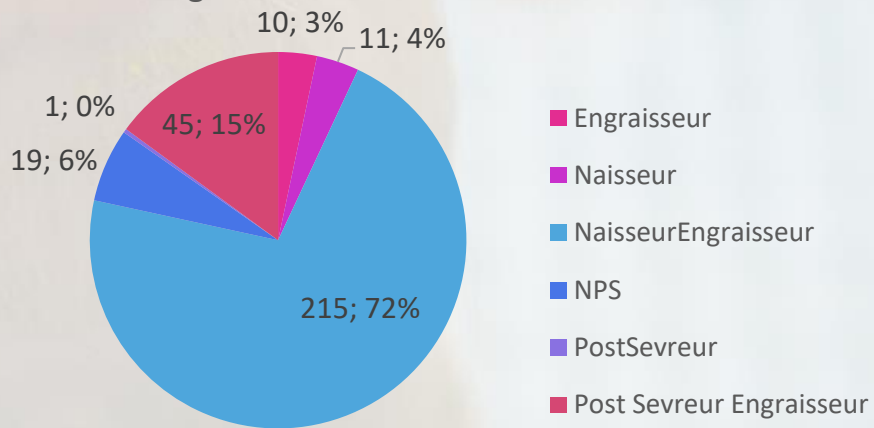
302 visites d'élevages en 2021 (336 en 2020) réalisées dans 24 départements



238 sites d'élevages différents
(272 en 2020) :

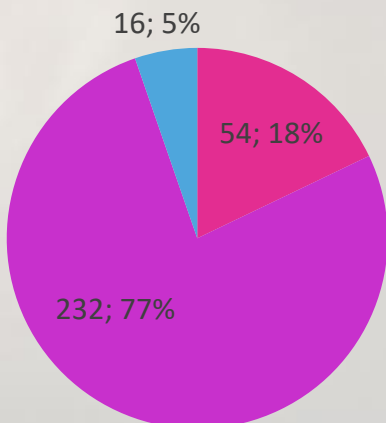
- 186** visités une fois
- 44** visités deux fois
- 8** visités trois à six fois

Les visites d'élevages concernent principalement des élevages de type NE (71,4 % en 2021, 71,7 % en 2020), l'information n'est pas disponible pour un élevage.



Motif de la visite

- Visite de routine
- Syndrome grippal
- NR



Types de signes cliniques

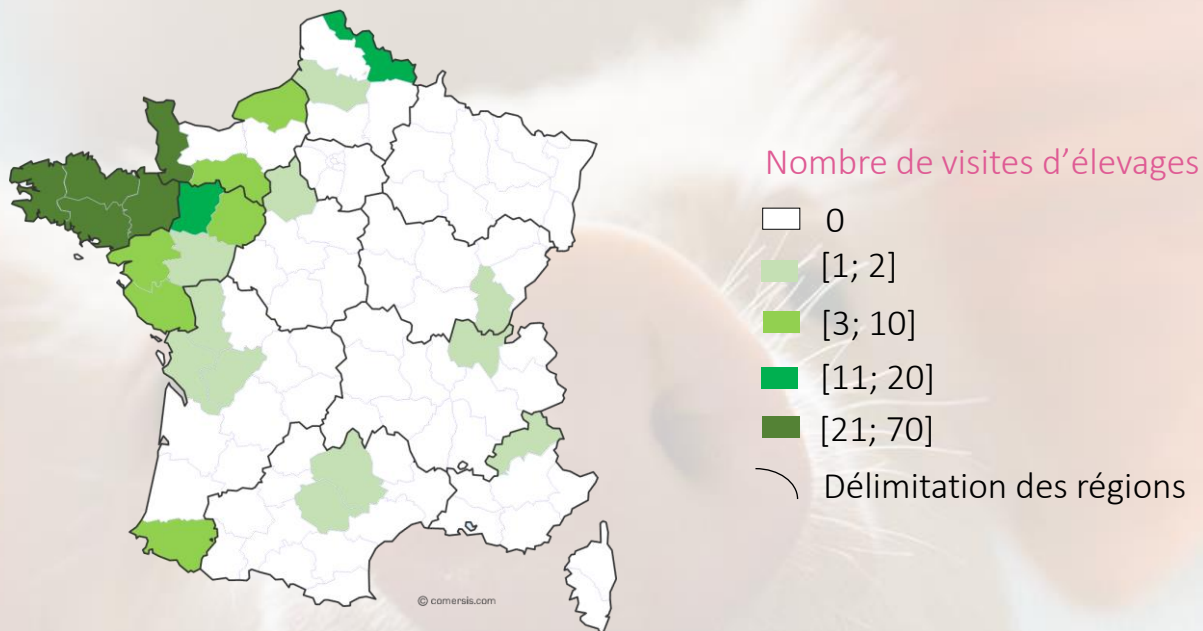
Forme	Intensité élevée	Intensité normale
Classique	43 (15,2 %)	142 (50,2 %)
Récurrente	14 (4,9 %)	84 (29,7 %)

La surveillance événementielle proposée par Résavip ne garantit pas la détection des nouveaux variants dès leur apparition, ni d'avoir des informations représentatives pour estimer la prévalence ou l'incidence de la maladie et des virus. En revanche, **elle permet d'approcher la diversité et la dynamique des virus influenza A circulant chez le porc en France métropolitaine.**

(Pour voir les résultats détaillés se reporter au tableau 1 en page 4)

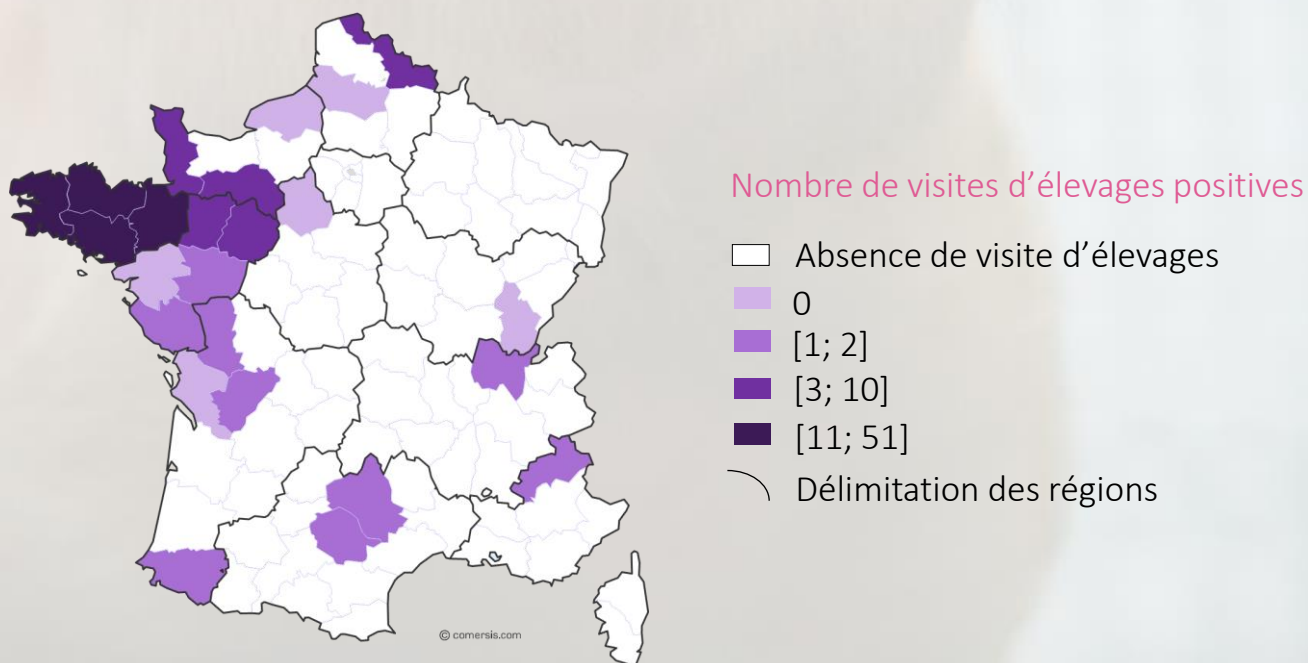
Répartition géographique des 302 visites d'élevages réalisées en 2021

→ 10 régions et 24 départements



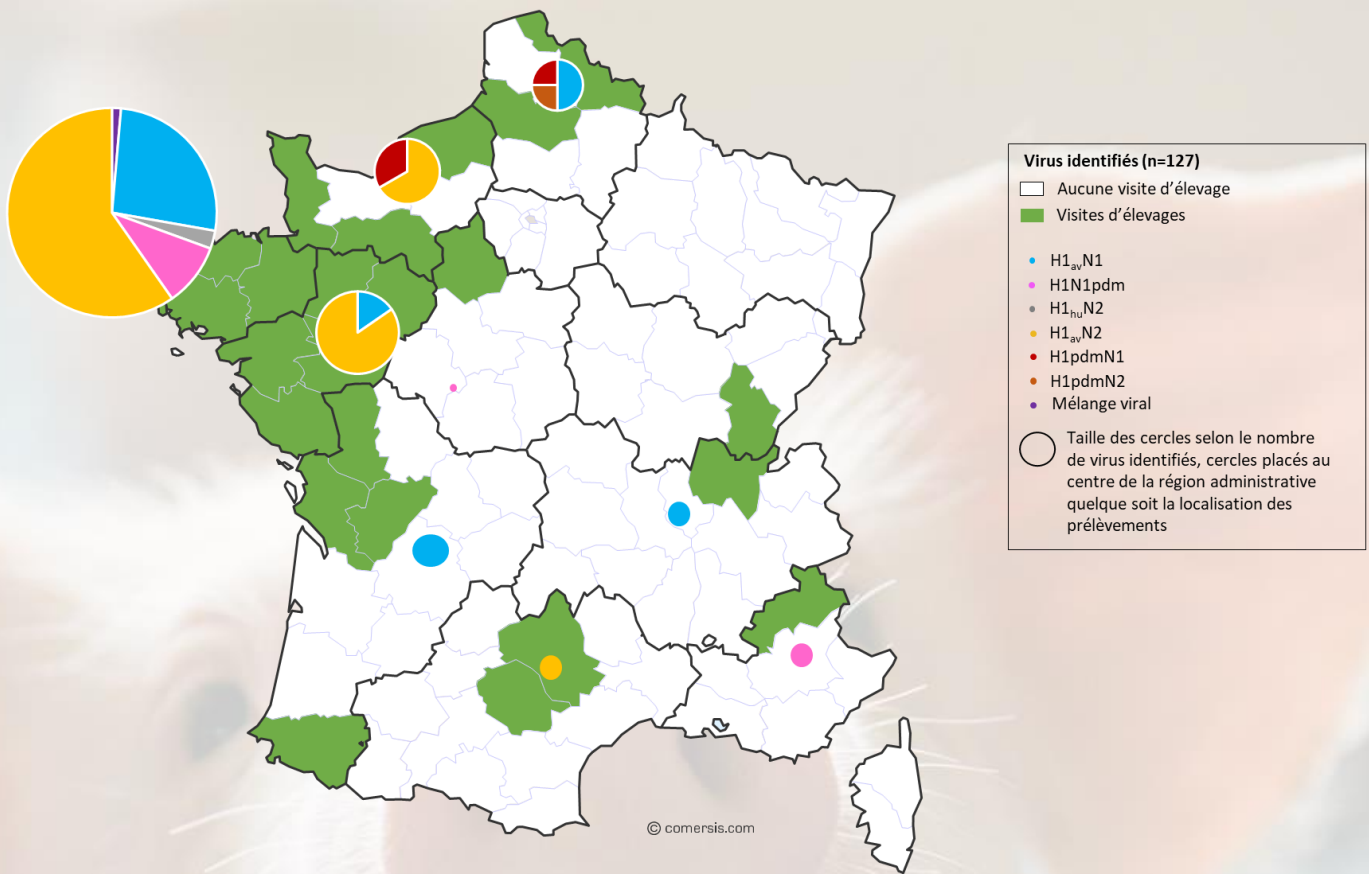
Répartition géographique des visites d'élevages ayant permis la détection de VIPs (= élevages positifs) en 2021

→ Des VIPs détectés lors de 42 % des visites (52 % en 2020) (n=127)

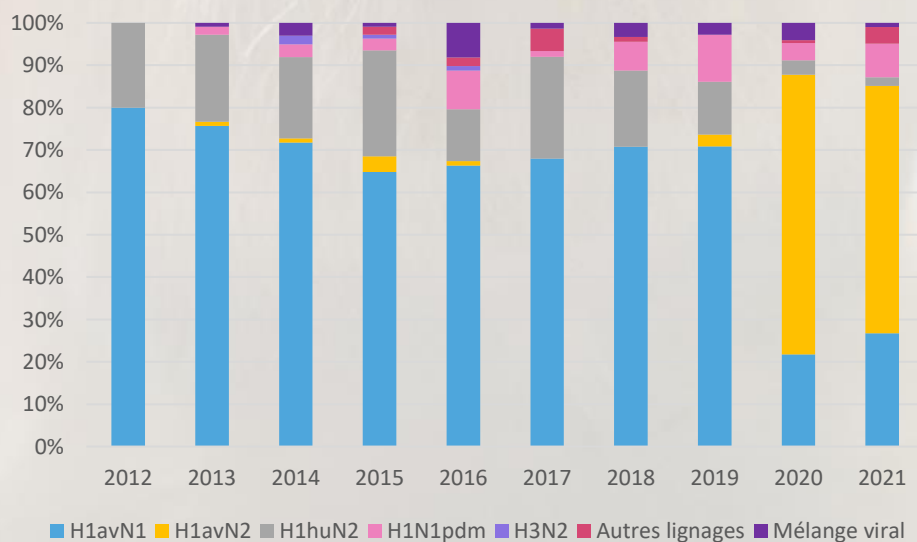


Répartition géographique des VIP identifiés en 2021

79,5 % (101/127) des virus détectés ont pu être identifiés (84,1 % en 2020)



Proportions des lignages identifiés de 2012 à 2021



Résavip remercie les éleveurs, les vétérinaires volontaires, les animateurs régionaux, les LDAs et le personnel du LNR-IP pour leur implication et leur travail

Résultats régionaux 2021

Région	Nombre de visites d'élevages	Nombre d'élevages	Nombre de visites positives	H1 _{av} N1	H1 _{av} N2	H1N1pdm	H1 _{hu} N2	Plusieurs souches détectées simultanément	Sous-type indéterminé ou partiellement déterminé
Auvergne Rhône Alpes	1	1	1	1	0	0	0	0	0
Bourgogne Franche Comté	1	1	0	0	0	0	0	0	0
Bretagne	204	160	84	19	43	7	2	1	16
Centre Val de Loire	1	1	0	0	0	0	0	0	0
Hauts de France	15	11	6	2	0	0	0	0	2
Normandie	28	20	10	0	4	0	0	0	4
Nouvelle Aquitaine	7	6	5	3	0	0	0	0	2
Occitanie	4	4	2	0	1	0	0	0	1
PACA	1	1	1	0	0	1	0	0	0
Pays de la Loire	40	33	14	2	11	0	0	0	1
Total national	302	238	127	23	59	8	2	1	26

Résultats complémentaires :



En plus des lignages « classiques » indiqués dans le tableau,

- Des virus de lignage **H1pdmN1** ont été détectés en **Normandie** (2 visites) et dans les **Hauts de France** (1 visite)
- Un virus de lignage **H1pdmN2** a été détecté dans les **Hauts de France** (1 visite)

Contact : Idommergues@lacoopagri.coop