

Note du 02/12/2024

Maladie hémorragique épidémiologique en Europe : suivi de situation de MHE (point au 26/11/2024)



Résumé : Cette note reprend la fiche MHE du [BHVS](#) du 26/11/2024. Elle présente le suivi de situation du 01/06/2024 au 26/11/2024 en Europe.

Pour le comité de rédaction de la Plateforme ESA : Sophie Carles, Julien Cauchard, Céline Dupuy, Guillaume Gerbier, Carlène Trévennec, Sylvain Villaudy

Pour le LNR : Emmanuel Bréard, Corinne Sailleau, Stéphan Zientara

Pour l'unité Astre du Cirad : Claire Garros, Thomas Balenghien

Auteur correspondant : plateforme-esa@anses.fr

Les informations sur l'émergence de la MHE en Europe sont disponibles dans la note [Emergence de la MHE en France](#), et la [note du 21/11/2023](#).

Le décompte des foyers dans cette note débute au 01/06/2024.

Fiche rédigée en collaboration avec le Laboratoire de santé animale de l'Anses¹ (LNR et LR OMSA) et le Cirad²

Informations sur la maladie hémorragique épidémiologique (MHE)

La MHE est une maladie virale infectieuse, non contagieuse, à transmission vectorielle (arbovirose) des ruminants domestiques et sauvages, principalement du cerf de Virginie (*Odocoileus virginianus*) et des bovins. Les moutons, les chèvres et les camélidés peuvent également être réceptifs, mais ne présentent pas de signes cliniques. Le diagnostic différentiel doit être fait avec la fièvre catarrhale ovine (FCO). Le virus de la MHE (EHDV) est transmis entre hôtes ruminants par des espèces de mouches piqueuses du genre *Culicoides*. Les infections de la MHE sont donc saisonnières. Dans les régions nord-américaines, le cerf de Virginie est l'espèce la plus gravement touchée, la forme suraiguë ayant un taux de létalité élevé. Chez les bovins, les signes cliniques sont rares, mais des symptômes de fièvre, d'anorexie, de dysphagie, d'émaciation, de stomatite ulcéreuse, de boiterie, de détresse respiratoire et d'érythème du pis ont été rapportés (source : [manuel terrestre de l'OMSA](#)).

La MHE circule au Maghreb, en particulier en Tunisie où elle a été détectée pour la première fois dans des élevages de bovins en 2006 (sérotypage 6), puis en 2015 (sérotypage non identifié) et en 2021 (sérotypage 8), avec plusieurs années sans détection entre chaque épisode. Cette dernière épidémiologie en Tunisie a causé plus de 200 foyers dans tout le pays (source : [CNVZ le 10/2015](#), [preprint le 09/11/2022](#), [BHVS du 07/12/2021](#), [Note d'information de l'Anses du 11/05/2023](#)). A ce jour, il n'existe pas de vaccin disponible contre le sérotypage 8 de la MHE.

Emmanuel Bréard, Corinne Sailleau, Stephan Zientara
Thierry Baldet, Thomas Balenghien, Claire Garros

La maladie avait été détectée à la Réunion à partir de 2003 et dans les Antilles françaises en 2010 et 2011 ([Gerbier et al. 2011](#)).

La MHE est catégorisée « D+E » au règlement européen 2016/429 (règlement d'exécution UE [2018/1882](#)), ce qui implique l'obligation de déclaration des foyers et la restriction des mouvements intra-communautaires (plus d'information sur la définition des catégories de maladies via ce [lien](#)).

L'ECDC actualise régulièrement les cartes de distribution de ces vecteurs en Europe ([lien](#)). L'Efsa fournit une synthèse complète sur la maladie et ses vecteurs ([lien](#)).

Plus d'informations sur les culicoïdes en Europe sont disponibles dans la note : [Que sait-on des espèces de Culicoïdes associées à la faune sauvage en région tempérée européenne ? Synthèse des données de la littérature.](#)

Des foyers bovins puis un cas de MHE sur un cerf élaphe ont été détectés pour la première fois en Europe (hors territoires ultra-marins) le 28/10/2022 en Italie (dans le sud de la Sardaigne puis en Sicile). Des foyers ont ensuite été détectés en Espagne. L'IZS a montré dans une publication de mai 2023 l'origine nord-africaine du virus en observant une identité de génome supérieure à 99 % entre la souche isolée en Italie et la souche de sérotype 8 isolée en Tunisie en 2021 (source : [Lorusso et al. 2023](#), [alerte Promed du 18/04/2023](#)).

Point de situation du 01/06/2024 au 26/11/2024 :

Espagne

Deux foyers bovins ont été déclarés, détectés les 09 et 30/10/2024. Un cas sauvage a été confirmé chez un cerf élaphe le 27/09/2024 en Aragon (source : ADIS le 25/11/2024). Un bilan de situation des zones infectées en 2023 et 2024 a été publié par les autorités sanitaires. Les foyers récents sont localisés dans le nord du pays, notamment dans des zones qui n'avaient pas été infectées en 2023, jusqu'au littoral méditerranéen (source : MAPA le 20/11/2024).

France

Communiqué de presse MASAF le 28/11/2024: « Entre le 1er juin et le 28 novembre 2024, 2 673 foyers de maladie hémorragique épizootique (MHE) ont été recensés en France dans des élevages à la faveur de la reprise de l'activité du vecteur (c'est-à-dire des culicoïdes). Les départements touchés par la MHE depuis le 1er juin 2024 sont : Haute-Garonne, Gers, Pyrénées-Atlantiques, Hautes-Pyrénées, Landes, Maine-et-Loire, Pyrénées Orientales, Ariège, Dordogne, Tarn, Tarn-et-Garonne, Aude, Aveyron, Loire-Atlantique, Lot, Lot-et-Garonne, Hérault, Vendée, Vienne, Indre-et-Loire et Sarthe, Cantal, Charente, Charente Maritime, Creuse, Cher, Lozère, Morbihan, Ille-et-Vilaine, Mayenne. ».

Cela représente +142 foyers par rapport à la semaine précédente, sans extension sur un nouveau département.

Le périmètre de la zone régulée évolue en conséquence (figure 1).

Le virus de la MHE a été détecté pour la première fois le 04/09/2023 dans les Pyrénées-Atlantiques. En 2023 et au premier semestre 2024, 20 départements avaient été infectés (par ordre chronologique de première détection): Pyrénées-Atlantiques (premier foyer le 04/09/2023), Hautes-Pyrénées (08/09/2023), Ariège (20/09/2023), Gers (25/09/2023), Haute-Garonne (25/09/2023), Landes (04/10/2023), Tarn (06/10/2023), Aude (12/10/2023), Lot-et-Garonne, Gironde, Tarn-et-Garonne, Dordogne, Corrèze, Vendée, Deux-Sèvres, Loire-Atlantique, Lot, Haute-Vienne, Morbihan et Pyrénées-Orientales (source : communication DGAL du 09/08/2024).

Un premier cas sauvage a été détecté en France le 25/09/2023 sur la commune de Loudenvielle dans les Hautes-Pyrénées, sur un cerf élaphe trouvé mort à proximité d'un élevage de bovins infecté par le virus de la MHE (source : [SAGIR, communiqué de presse MASA le 09/10/2023](#)).

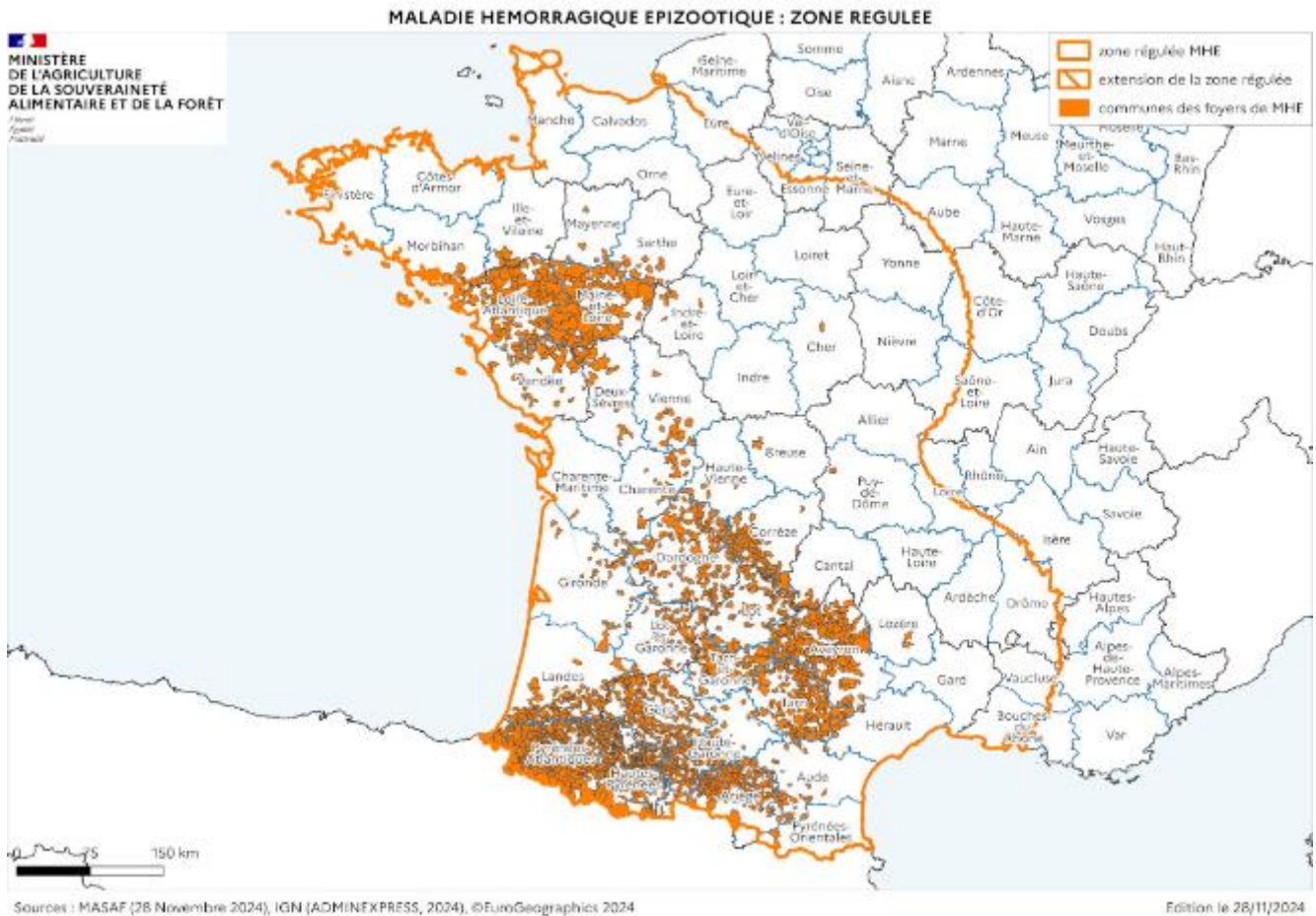


Figure 1. Localisation des communes dans lesquelles des foyers de MHE ont été détectés depuis le 04/09/2023 et délimitation de la zone réglementée (source : [site MASAF le 28/11/2024](#)).

Les recommandations de gestion et de prévention sont disponibles sur le site de GDS-France [Maladie Hémorragique Epizootique : MHE](#).

Italie

Le dernier cas sauvage a été détecté le 18/12/2023 sur un daim européen en Sardaigne (source : Commission européenne ADIS le 05/02/2023).

Portugal

Dernier foyer détecté le 18/10/2024 (source : Commission européenne ADIS le 04/11/2024). On observe une extension vers le sud, avec un premier foyer détecté le 16/10/2024 dans la province de Setúbal (source : Commission européenne ADIS le 28/10/2024).

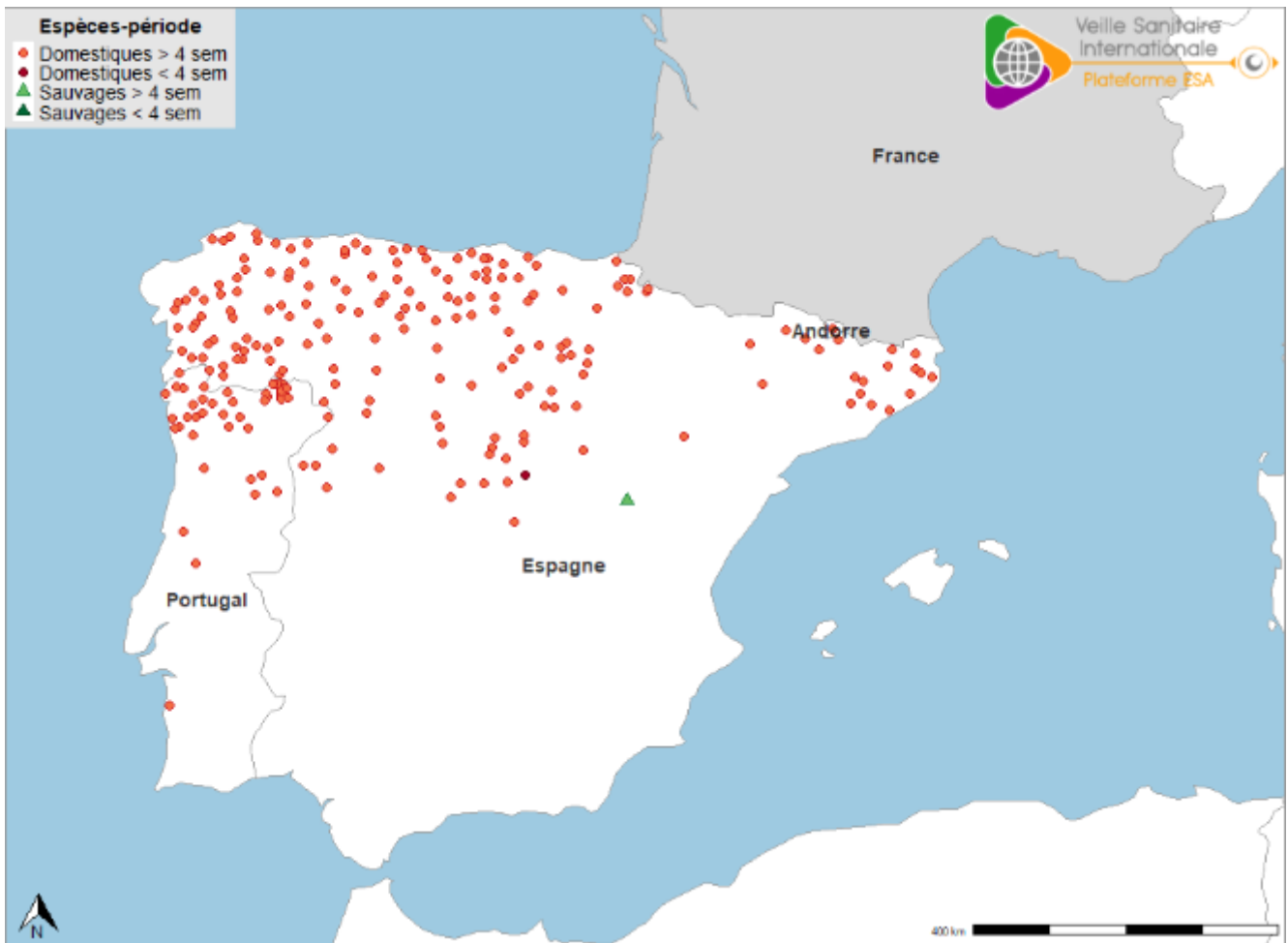


Figure 2. Localisation des foyers de maladie hémorragique épizootique (MHE) détectés depuis le 01/06/2024 et sur les quatre dernières semaines (incidence mensuelle) (source : [Commission Européenne ADIS le 25/11/2024](#)). **ATTENTION : pour la France, voir la situation actualisée sur la carte ci-dessus du [MASAF](#)**

Tableau 1. Nombre de foyers domestiques et de cas de MHE en Europe par pays et par espèce depuis le 01/06/2024 (source : [commission Européenne ADIS le 25/11/2024](#)). NB : des cas de transmission à d'autres espèces sauvages peuvent être connus des services en charge de la surveillance de la faune sauvage. **Données précises pour la France non disponibles.**

Pays	Date de détection du premier évènement	Date de détection du dernier évènement	Bovins	Cervidés domestiques	Ovins/Caprins
Andorre	24/07/24	24/07/24	1	0	0
Espagne	28/06/24	30/10/24	176	1	2
Portugal	13/07/24	18/10/24	46	0	0
Total Europe	28/06/24	30/10/24	223	1	2

Pour en savoir plus

- Balenghien, T., Alexander, N., Arnþórsdóttir, A. L., Bisia, M., Blackwell, A., Bødker, R., ... Wint, W. G. R. (2020). VectorNet Data Series 3: Culicoides Abundance Distribution Models for Europe and Surrounding Regions. Open Health Data, 7(1), 2. DOI: <http://doi.org/10.5334/ohd.33>
- Conte, A., Gilbert, M. and Goffredo, M. (2009), Eight years of entomological surveillance in Italy show no evidence of Culicoides imicola geographical range expansion. Journal of Applied Ecology, 46: 1332-1339. DOI : <https://doi.org/10.1111/j.1365-2664.2009.01723.x>
- Ducheyne E, Miranda Chueca MA, Lucientes J, Calvete C, Estrada R, Boender GJ, Goossens E, De Clercq EM, Hendrickx G. Abundance modelling of invasive and indigenous Culicoides species in Spain. Geospat Health. 2013 Nov;8(1):241-54. DOI : <https://doi.org/10.4081/gh.2013.70>
- EFSA - ECDC Distribution maps of biting midges [lien](#)
- EFSA Scientific Opinion on Epizootic Hemorrhagic Disease, EFSA Journal 2009; 7(12):1418, DOI : <https://doi.org/10.2903/j.efsa.2009.1418>
- Jiménez-Cabello, L., Utrilla-Trigo, S., Lorenzo G., Ortego, J., Calvo-Pinilla, E., (2023) "Epizootic Hemorrhagic Disease Virus: Current Knowledge and Emerging Perspectives " Microorganisms 2023, 11(5), 1339; DOI: <https://doi.org/10.3390/microorganisms11051339>
- Maurer LM, Paslaru A, Torgerson PR, Veronesi E, Mathis A. Vector competence of Culicoides biting midges from Switzerland for African horse sickness virus and epizootic haemorrhagic disease virus. Schweiz Arch Tierheilkd. 2022 Jan;164(1):66-70. English. DOI: <https://doi.org/10.17236/sat00337>

Ce document créé dans le cadre de la Plateforme d'épidémiosurveillance en santé animale (ESA) peut être utilisé et diffusé par tout média à condition de citer la source comme suit et de ne pas apporter de modification au contenu
« © <https://www.plateforme-esa.fr/> »