

Thématique veille sanitaire internationale	
Note d'information	28/11/2025
	Peste porcine africaine Deux cas en Espagne (Catalogne)

Pour la Plateforme ESA (par ordre alphabétique) : Julien Cauchard (Anses), Céline Dupuy (Anses), Guillaume Gerbier (DGAL), Laure Mathews-Martin (Inrae), Carlène Trevennec (Inrae)

Auteur correspondant : plateforme-esa@anses.fr

Essentiels
- Deux cas de peste porcine africaine (PPA) détectés à Bellaterra, au nord de Barcelone sur des cadavres de sanglier le 26/11/2025. - Les cas sont situés à 94 km de la frontière française.

Sources et liens
- Communiqué de presse du ministère de l'agriculture espagnol (MAPA) : le 28/11/2025 - Bulletin hebdomadaire de veille sanitaire internationale du 25/11/2025 (BHVSI)

Les services vétérinaires espagnols ont confirmés deux cas de peste porcine africaine (PPA). Les résultats positifs ont été détectés chez deux sangliers retrouvés morts, le 26 novembre, à Bellaterra (Barcelone) (source : [MAPA le 28/11/2025](#)).

Les deux carcasses de sanglier sauvage étaient distantes d'environ un kilomètre, et situées à proximité du campus de l'Université autonome de Barcelone, soit à 94 km de la frontière française (**figure 1**).

Entre 1960 et 1994, l'Espagne avait lutté contre la PPA (génotype 1). Il s'agit donc de la première détection du virus en Espagne depuis 1994. A ce stade, nous n'avons pas d'information sur le génotype de PPA ni sur l'origine de cette infection. Une enquête épidémiologique est en cours.

Toutes les mesures de gestion ont été mises en place comprenant la délimitation de la zone infectée, la recherche active et l'élimination sous contrôle officiel des carcasses de sangliers, l'interdiction de la chasse dans la zone afin d'empêcher le déplacement des sangliers vers la zone indemne, la restriction des activités de nature non essentielles, le renforcement de la surveillance événementielle et des mesures de biosécurité dans les élevages porcins, ainsi que des visites officielles dans ces établissements.

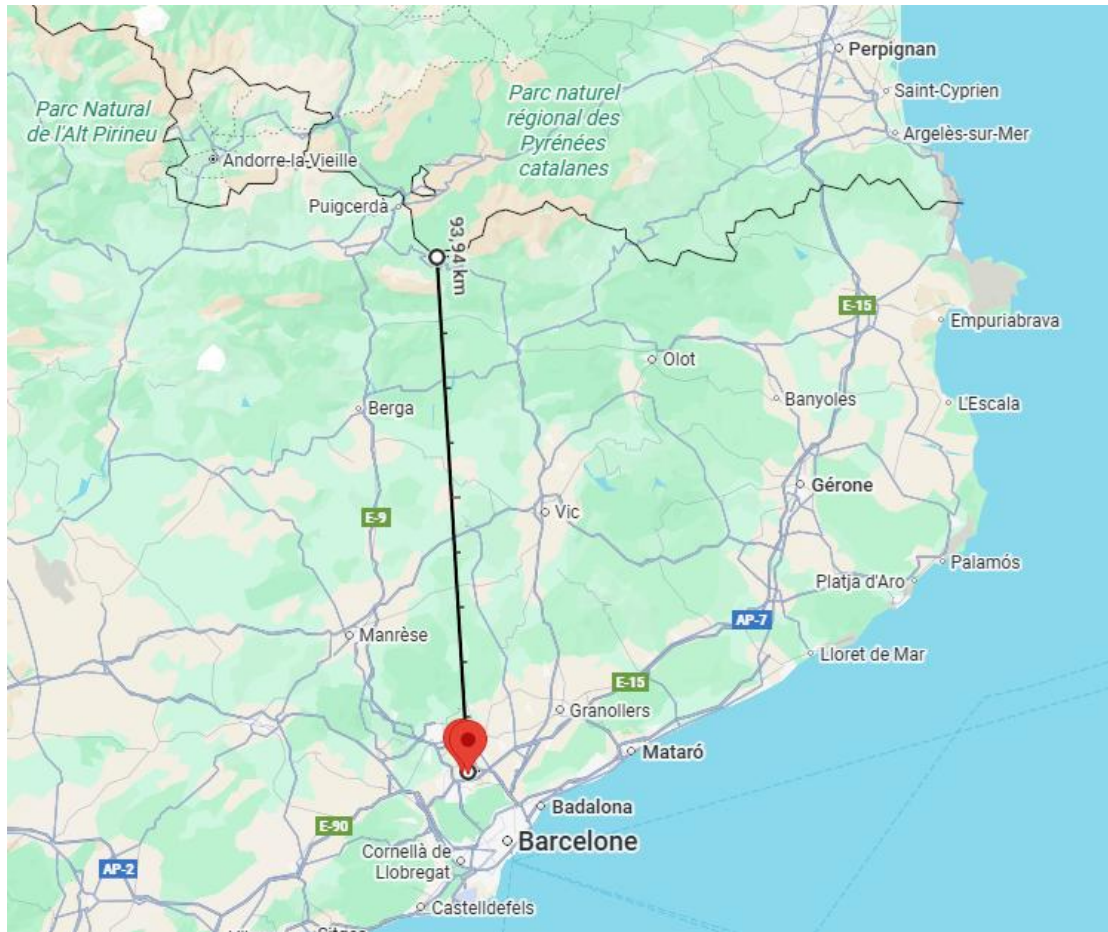


Figure 1. Localisation des cas de PPA en Espagne au 28/11/2025 (point rouge)(source : [MAPA le 28/11/2025](#), carte Google Maps).

Encadré. Distribution géographique des différents génotypes du virus de la peste porcine africaine

La PPA est classée par l'OMSA comme étant la première source de mortalité des porcs domestiques dans le monde.

On compte à ce jour 24 génotypes différents du virus de la PPA. Ils sont tous présents sur le continent africain mais seuls deux génotypes ont été identifiés en dehors de l'Afrique, le génotype I depuis 1958 et le génotype II depuis 2007.

Le virus de génotype II est responsable de l'épizootie qui a débuté en 2007 en Géorgie et qui s'est propagée depuis en Russie, Europe, Chine, Asie du sud-est et plus récemment aux Caraïbes (Haïti et République dominicaine).

Les cas les plus proches du territoire français en 2025 ont été détectés en Allemagne et en Italie respectivement à 70 et 55 kilomètres de la frontière (source : [BHVS du 28/11/2025](#))

La génotype I de la PPA était présent en Sardaigne entre 1978 et 2024. Le virus de génotype I a également été isolé en 2021 au sein d'élevages en Chine, provoquant des formes chroniques de la maladie.

Références

- Njau, E. P., J. B. Domelevo Entfellner, E. M. Machuka, E. N. Bocher, S. Cleaveland, G. M. Shirima, L. J. Kusiluka, C. Upton, R. P. Bishop, R. Pelle et E. A. Okoth. 2021. "The first genotype II African swine fever virus isolated in Africa provides insight into the current Eurasian pandemic." *Sci Rep* 11 (1): 13081. <https://doi.org/10.1038/s41598-021-92593-2>.
- Sun, E., L. Huang, X. Zhang, J. Zhang, D. Shen, Z. Zhang, Z. Wang, H. Huo, W. Wang, H. Huangfu, W. Wang, F. Li, R. Liu, J. Sun, Z. Tian, W. Xia, Y. Guan, X. He, Y. Zhu, D. Zhao et Z. Bu. 2021. "Genotype

"I African swine fever viruses emerged in domestic pigs in China and caused chronic infection." Emerg Microbes Infect 10 (1): 2183-2193. <https://doi.org/10.1080/22221751.2021.1999779> .

Ce document créé dans le cadre de la Plateforme d'épidémiosurveillance en santé animale (ESA) peut être utilisé et diffusé par tout média à condition de citer la source comme suit et de ne pas apporter de modification au contenu « © <https://www.plateforme-esa.fr/> »